

医学研究科共通機器センター

次世代シーケンサーによる全エクソーム受託解析のご案内

健康未来イノベーションセンター先端機器室に新たに導入された次世代シーケンサー NextSeq 550 および大容量計算機 IWAKI システムを用いた全エクソームシーケンスの受託解析を受け付ける事となりました。ヒトのゲノム DNA を用いてライブラリを作成し、エクソン領域を濃縮して大量並列シーケンシングを行うことで、点変異 (SNP) や挿入欠失 (In/Del) を網羅的に解析いたします。

具体的な解析内容は添付ファイルをご参照ください。なお受託解析の依頼には共通機器センターに利用者登録が必要となります。

使用機器

NextSeq 550 (Illumina)
4200 TapeStation (Agilent)
Qubit 3.0 (Thermo Fisher)
Biomek 4000 (Beckman Coulter)
IWAKI system (Hitachi)

全エクソームシーケンス用キット

- Nextera DNA Library Prep for Enrichment
- xGen Exome Research Panel v1.0
- NextSeq 500/550 High Output Kit v2.5

解析をご希望の方は次項の「受託解析依頼の手順」をご覧ください、手順に沿って解析をご依頼ください。

<お問い合わせ先>

分子生体防御学講座 葛西秋宅

アドレス：kasai-s@hirosaki-u.ac.jp

受託解析依頼の手順

1. 共通機器センターのウェブサイトから受託解析の内容をご確認ください。
(<http://www.med.hirosaki-u.ac.jp/~admed/contents/common.html>)
・全エキソームシーケンス受託解析のご案内 ・全エキソームシーケンス受託解析要項
↓
2. 「**全エキソーム受託解析依頼書**」をダウンロードしご記入ください。
↓
3. 依頼書をメール添付にて下記の次世代シーケンサー担当者まで提出してください。
↓
4. 解析内容の打ち合わせを行います（解析料金と納期を提示いたします。）
↓
5. DNA 検体を次世代シーケンサー担当者に提出してください。
↓
6. DNA 検体の精製と濃度測定を行い、結果をご報告いたします。
↓
7. ライブラリ作成
↓
8. シーケンシングを行い、結果をご報告いたします。
↓
9. 二次解析
↓
10. 未使用 DNA 検体および解析結果データを納品、結果をご説明いたします。
↓
11. 「**全エキソーム受託解析料金精算書**」を依頼者に提示いたします。
↓
12. 予算の変更等がありましたら、指定された期日までにご連絡をお願いします。
↓
13. 事務にて受託解析料金の予算を振替します。